

Метод генетической оптимизации схем ролевого доступа к информации

Саенко И.Б. и Котенко И.В.

Учреждение Российской академии наук
Санкт-Петербургский институт
информатики и автоматизации РАН
(СПИИРАН)





План (1)

✓ Введение

- Формальная постановка задачи
- Реализация ГА
- Оценка
- Заключение



Понятие проблемы RMP

- [R. S. Sandhu , etc., 1996] ввел модель ролевого управления доступом (Role-Based Access Control – **RBAC**), чтобы упростить централизованное управление доступом к информации при большом количестве пользователей.
- [E. J. Coyne , 1995]: практическое применение **RBAC** привело к необходимости решения проблемы, названной **инжинирингом ролей** (*role engineering* - **RE**). **RE** – это задача определения полного и корректного множества ролей и связанных с ним полномочий.
- [J. Vaidya , etc., 2006]: существуют 2 основных подхода к выполнению **RE**: **нисходящий** (*top-down*) и **восходящий** (*bottom-up*).
- [M. Kuhlmann , etc., 2003]: восходящий подход назван **извлечением ролей** (*role mining*), так как основными элементами в нем являются методы ИАД (*data mining*). Процесс *Role Mining* является слишком сложной проблемой, которая названа **проблемой извлечения ролей** (*role mining problem* - **RMP**).

Проблема RMP является NP-полной!!!



Обзор работ (1)

- [D. Zhang , etc., 2007] предложил **графовые** подходы для решения проблемы RMP. Однако графовые модели трудны для применения в многокритериальных случаях.
- [A. Colantonio, etc., 2008] предложил **стоимостной** подход к решению проблемы RMP, но он, обладает существенными ограничениями.
- [M. Frank , etc., 2008] предложил **вероятностный** подход к проблеме RMP, но он, имеет низкую точность и надежность.



Обзор работ (2)

[J. Vaidya, etc., 2007] предложил **кластерный** подход к решению проблемы RMP, но не верится, что он имеет широкую область применения

[H. Roeskle, etc., 2000; M. Strembeck, etc., 2002; I. Molloy, etc., 2008] предложил **семанто-ориентированный** подход к решению RMP, но он требует дополнительного знания семантики.

[H. Lu, etc., 2008] предложил решать **RMP** как задачу оптимальной **декомпозиции булевых матриц**, но он не приемлем для многих случаев.



Обзор работ (3)

[[N. Hu, etc., 2006](#)] применил генетические алгоритмы (ГА) для решения задач информационной безопасности, но ГА использованы **совместно с** RBAC, а не для **создания** RBAC.

[[N. Semmanche, etc., 2000](#)] успешно применил ГА для управления доступом в **сервисах Web**, но эти сервисы не используют RBAC .

Использование ГА для решения RMP также возможно !!!



План (2)

- Введение
- **Формальная постановка задачи**
- Реализация ГА
- Оценка
- Заключение



Постановка задачи

Дано:

- множество пользователей;
- множество СИСТЕМНЫХ ресурсов;
- а “требуемая” матрица, определяющая желаемые полномочия по доступу пользователей к ресурсам

Требуется найти:

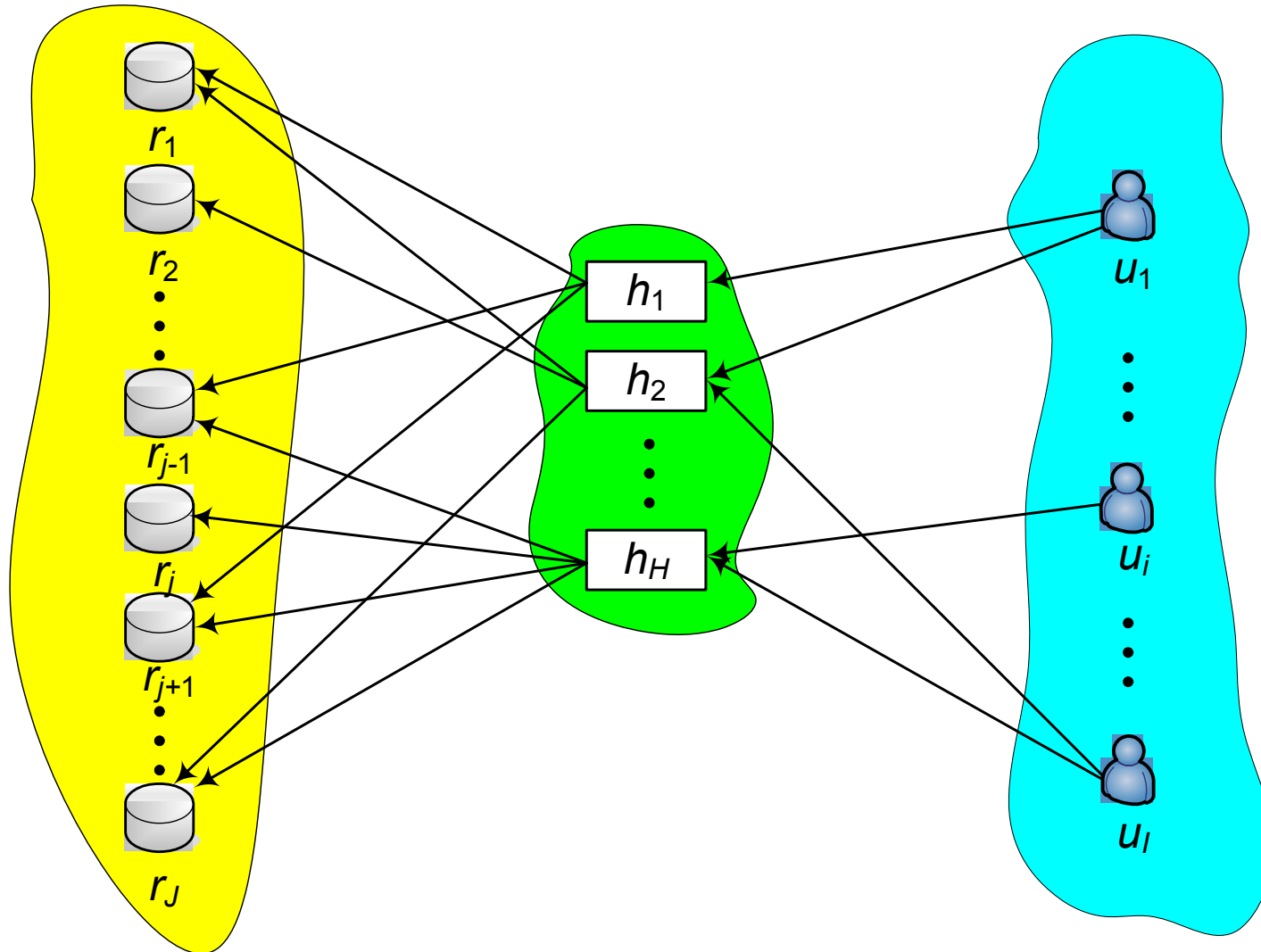
- минимально необходимое количество ролей;
- матрицу “пользователи-роли”;
- матрицу “роли-ресурсы”

Представление RBAC

Resources (**R**)

Roles (**H**)

Users (**U**)





Исходные данные

Множество <i>пользователей</i>	$\mathbf{U} = \{u_i\}$
Множество <i>ресурсов</i>	$\mathbf{R} = \{r_j\}$
Множество <i>возможных ролей</i>	$\mathbf{H} = \{h_k\}$
“Требуемая” матрица контроля доступа	$\mathbf{S}^{\text{req}} = \{s_{ij}^{\text{req}}\} \subseteq \mathbf{U} \times \mathbf{R}$



Переменные

Матрица роли-ресурсы

$$\mathbf{X} = \left\{ x_{kj} \right\}, j = \overline{1, J} \\ k = \overline{1, K}$$

Матрица пользователи-роли

$$\mathbf{Y} = \left\{ y_{ik} \right\}, i = \overline{1, I} \\ k = \overline{1, K}$$

Целевые функции

“Реальная” схема контроля доступа: $\mathbf{S}^{\text{real}} = \{s_{ij}^{\text{real}}\}$

$$\mathbf{S}^{\text{real}} = \mathbf{Y} \cdot \mathbf{X} \quad (1)$$

$$s_{ij}^{\text{real}} = \sum_{k=1}^K y_{ik} x_{kj} \quad (2)$$

Первая целевая функция G^{conf}

$$G^{\text{conf}} = \sum_{i=1}^I \sum_{j=1}^J \max\left(0, \left(s_{ij}^{\text{real}} - s_{ij}^{\text{req}}\right)\right) \quad (3)$$

Вторая целевая function G^{accs}

$$G^{\text{accs}} = \sum_{i=1}^I \sum_{j=1}^J \max\left(0, \left(s_{ij}^{\text{req}} - s_{ij}^{\text{real}}\right)\right) \quad (4)$$

Обобщенный критерий задачи:

$$K \Rightarrow \min; G^{\text{conf}} = 0; G^{\text{accs}} = 0 \quad (5) \quad // \text{ “базовая” RMP}$$

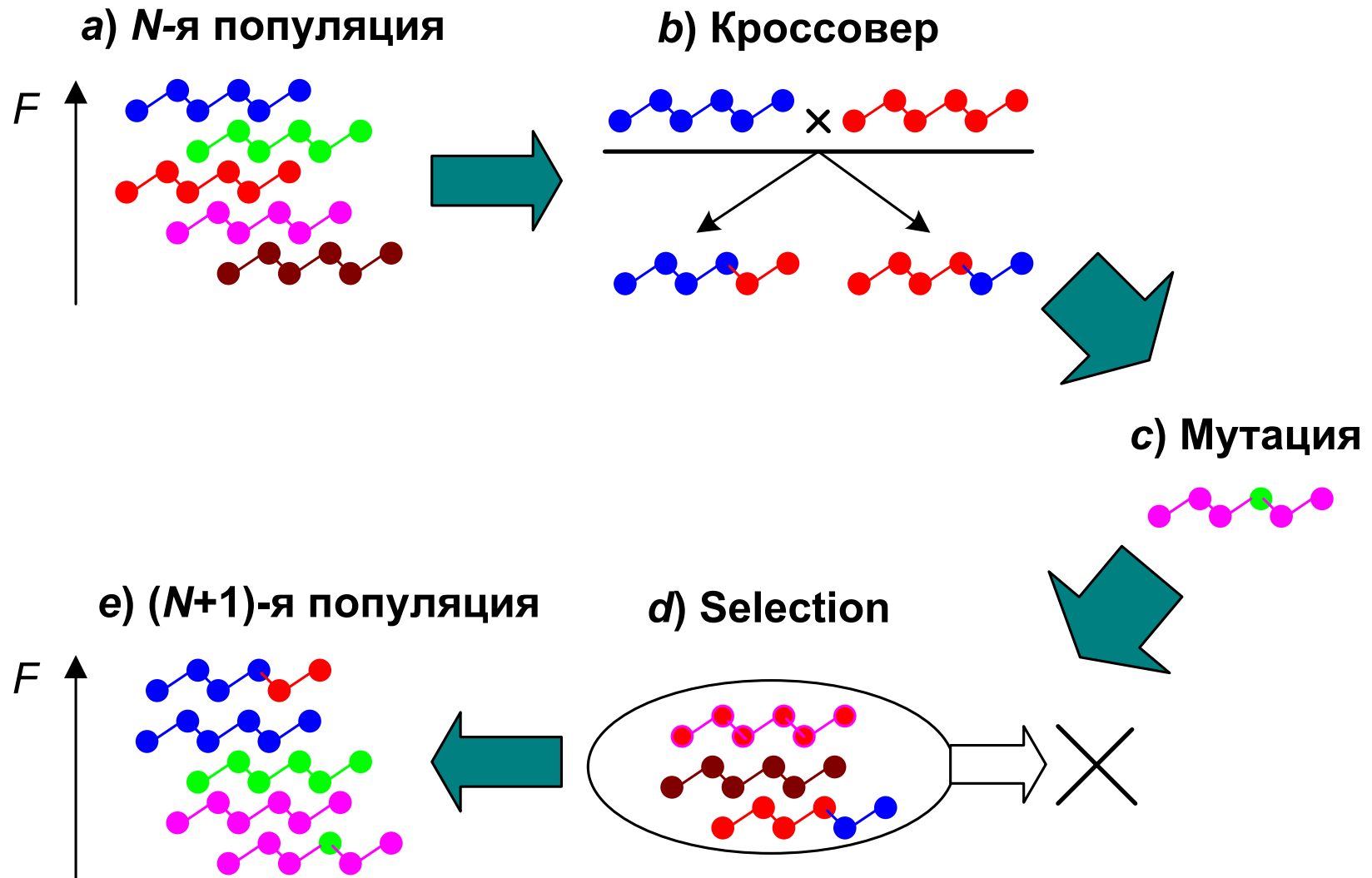
$$\left(|\mathbf{X}| + |\mathbf{Y}|\right) \Rightarrow \min; G^{\text{conf}} = 0; G^{\text{accs}} = 0 \quad (6) \quad // \text{ “краевая” RMP}$$



План (3)

- Введение
- Формальная постановка задачи
- **Реализация ГА**
- Оценка
- Заключение

Что такое ГА?



Хромосомы (кодирование переменных) (1)

1-я хромосома состоит из столбцов матрицы

Роли-Ресурсы:

Матрица X:

$$\mathbf{X} = \begin{bmatrix} 1 & 1 & 0 \\ 0 & 1 & 0 \\ \dots & \dots & \dots \\ 1 & 0 & 1 \\ 0 & 0 & \dots & 1 \\ 1 & 0 & 0 \\ \dots & \dots & \dots \\ 1 & 1 & 1 \end{bmatrix}$$



Хромосома X:

$$\text{Chr}(\mathbf{X}) = \left\langle \begin{bmatrix} 1 \\ 0 \\ \dots \\ 1 \\ 0 \\ 1 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix}, \begin{bmatrix} 1 \\ 1 \\ \dots \\ 0 \\ 0 \\ 0 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix}, \dots, \begin{bmatrix} 0 \\ 0 \\ \dots \\ 1 \\ 1 \\ 0 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix} \right\rangle$$

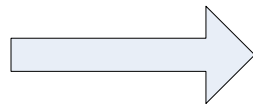
Хромосомы (2)

2-я хромосома состоит из столбцов матрицы

Пользователи -Роли:

Матрица Y:

$$Y = \begin{bmatrix} 1 & 1 & 0 \\ \dots & \dots & \dots \\ 0 & 0 & 1 \\ \dots & \dots & \dots \\ 0 & 1 & 1 \end{bmatrix}$$



Хромосома Y:

$$\text{Chr}(Y) = \langle \begin{bmatrix} 1 \\ \dots \\ 0 \\ \dots \\ 0 \end{bmatrix}, \begin{bmatrix} 1 \\ \dots \\ 0 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix}, \dots, \begin{bmatrix} 0 \\ \dots \\ 1 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix} \rangle$$

Хромосомы (3)

3-я хромосома $\text{Chr}[\mathbf{Z}]$ является управляющей и является бинарной строкой.

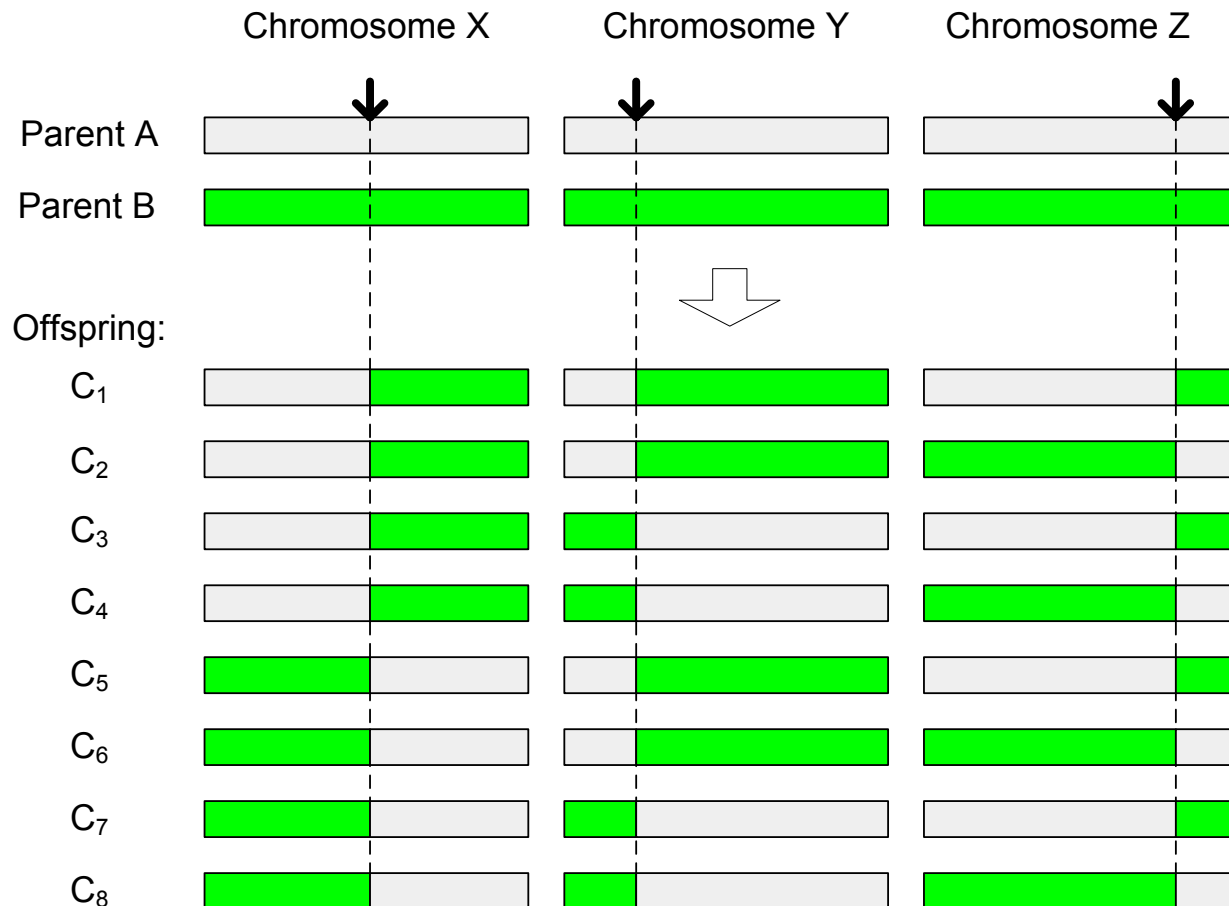
Если ген этой хромосомы равен 1, то соответствующая роль является активной, иначе – пассивной.

$$\text{Chr}(\mathbf{X}) = \left\langle \begin{bmatrix} 1 \\ 0 \\ \dots \\ 1 \\ 0 \\ 1 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix}, \begin{bmatrix} 0 \\ 0 \\ \dots \\ 0 \\ 0 \\ 0 \\ \dots \\ 0 \end{bmatrix}, \dots, \begin{bmatrix} 0 \\ 0 \\ \dots \\ 1 \\ 0 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix} \right\rangle; \text{Chr}(\mathbf{Y}) = \left\langle \begin{bmatrix} 1 \\ \dots \\ 0 \\ \dots \\ 0 \end{bmatrix}, \begin{bmatrix} 0 \\ 0 \\ \dots \\ 0 \end{bmatrix}, \dots, \begin{bmatrix} 0 \\ \dots \\ 1 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix} \right\rangle;$$

$$\text{Chr}(\mathbf{Z}) = \langle 1, 0, \dots, 1 \rangle$$

Пример: Роль r_2 является пассивной

Кроссовер



Примечание: новые дочерние хромосомы Chr(X) и Chr(Y) будут корректировать свои гены в соответствии с информацией, содержащейся в Chr(Z).

Мутация (1)

До мутации (выбранные элементы - x_{22} , $x_{2,j+1}$, and $y_{1,l}$):

$$\text{Chr}(\mathbf{X}) = \left\langle \begin{bmatrix} 1 \\ 0 \\ \dots \\ 1 \\ 0 \\ 1 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix}, \begin{bmatrix} 1 \\ 1 \\ \dots \\ 0 \\ 0 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix}, \dots, \begin{bmatrix} 0 \\ 0 \\ \dots \\ 1 \\ 0 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix} \right\rangle; \quad \text{Chr}(\mathbf{Y}) = \left\langle \begin{bmatrix} 1 \\ \dots \\ 0 \\ \dots \\ 0 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix}, \begin{bmatrix} 1 \\ \dots \\ 0 \\ \dots \\ 1 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix}, \dots, \begin{bmatrix} 0 \\ \dots \\ 1 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix} \right\rangle;$$
$$\text{Chr}(\mathbf{Z}) = \langle 1, 1, \dots, 1 \rangle$$

Мутация (2)

После мутации (выбранные элементы - x_{22} , $x_{2,j+1}$, and $y_{1,l}$):

$$\text{Chr}(\mathbf{X}) = \left\langle \begin{bmatrix} 1 \\ 0 \\ \dots \\ 1 \\ 0 \\ 1 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix}, \begin{bmatrix} 1 \\ 0 \\ \dots \\ 0 \\ 1 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix}, \dots, \begin{bmatrix} 0 \\ 0 \\ \dots \\ 0 \\ 0 \\ \dots \\ 0 \end{bmatrix} \right\rangle; \quad \text{Chr}(\mathbf{Y}) = \left\langle \begin{bmatrix} 1 \\ \dots \\ 0 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix}, \begin{bmatrix} 1 \\ \dots \\ 0 \\ \dots \\ 1 \end{bmatrix}, \dots, \begin{bmatrix} 0 \\ \dots \\ 0 \\ \dots \\ 0 \end{bmatrix} \right\rangle;$$
$$\text{Chr}(\mathbf{Z}) = \langle 1, 1, \dots, 0 \rangle$$



Функция пригодности

“Базовая” RMP:

$$F_{\text{basic}} = \left(\alpha_1 \cdot K + \alpha_2 \cdot G^{\text{conf}} + \alpha_3 \cdot G^{\text{accs}} \right)^{-1} \quad (7)$$

“Краевая” RMP:

$$F_{\text{edge}} = \left(\alpha_1 \cdot (|\mathbf{X}| + |\mathbf{Y}|) + \alpha_2 \cdot G^{\text{conf}} + \alpha_3 \cdot G^{\text{accs}} \right)^{-1} \quad (8)$$

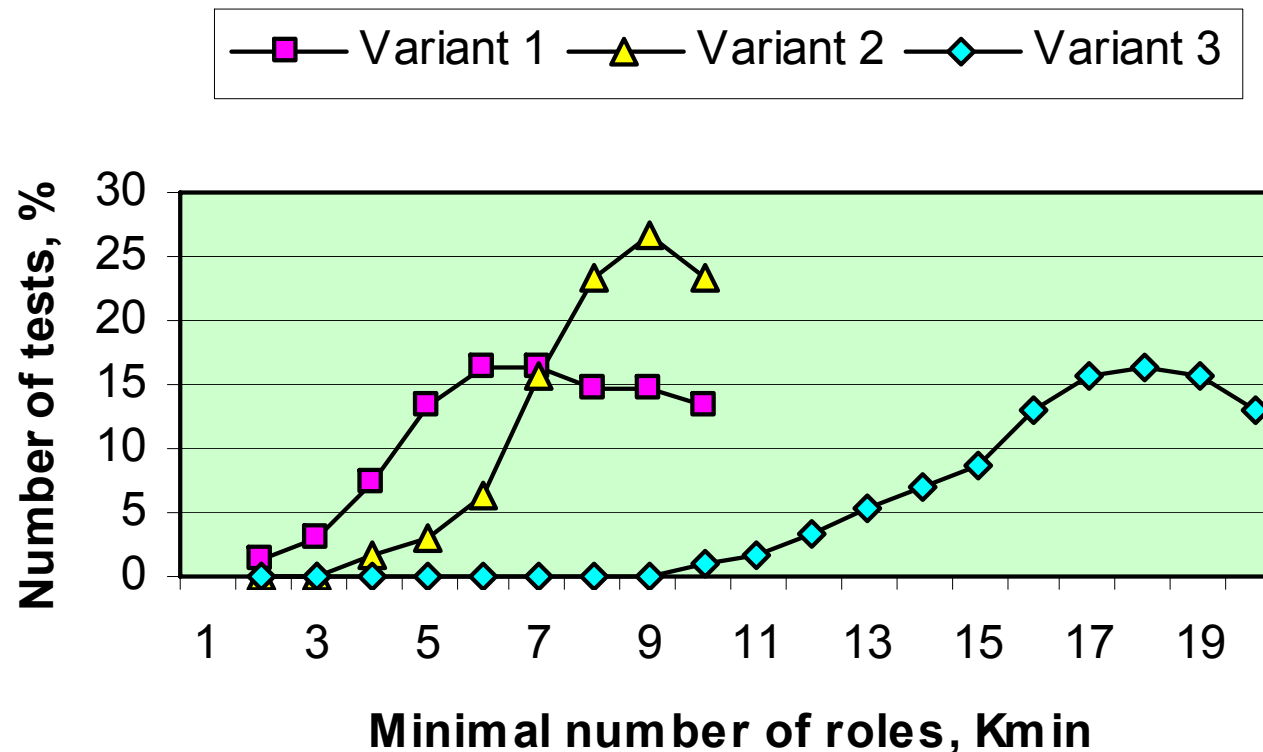


План (4)

- Введение
- Формальная постановка задачи
- Реализация ГА
- **Оценка**
- Заключение

Минимальное количество ролей

Зависимость показывает, как количество успешных тестов (в процентах), которые приводят к результату K_{\min} как решению задачи, зависит от K_{\min} .



Вариант 1: $\{I = 10, J = 20\}$,

Вариант 2: $\{I = 10, J = 50\}$,

Вариант 3: $\{I = 20, J = 50\}$.

Вид функции пригодности - "базовая" RMP.

Оценка производительности

Варианты	I	J	“Базовая” RMP		“Краевая” RMP	
			N_{\min}^{pop}	N_{\max}^{pop}	N_{\min}^{pop}	N_{\max}^{pop}
Вариант 1	10	20	15	30	17	29
Вариант 2	10	50	21	52	20	55
Вариант 3	20	50	48	95	52	105

N_{\min}^{pop} и N_{\max}^{pop} есть минимальные и максимальные значения, которые были получены в тестах.



План (5)

- Введение
- Формальная постановка задачи
- Реализация ГА
- Оценка
- **Заключение**



Заключение

- Использование ГА в *стандартной* форме связано со значительными трудностями. Основная причина этого заключается в *переменной длине* хромосом.
- Чтобы преодолеть эту проблему, мы предлагаем несколько *оригинальных решений*, касающихся реализации ГА (**см. выше**).
- Будущие работы связаны с реализацией ГА для решения RMP для случая *иерархии ролей*.

Контактная информация

Саенко Игорь Борисович (СПИИРАН)

saenko@comsec.spb.ru

<http://comsec.spb.ru/saenko/>

Котенко Игорь Витальевич (СПИИРАН)

ivkote@comsec.spb.ru

<http://comsec.spb.ru/kotenko/>

Благодарности

- Работа выполняется при финансовой поддержке РФФИ (проекты №10-01-00826 и 11-07-00435-а), программы фундаментальных исследований ОНИТ РАН (проект № 3.2) и при частичной финансовой поддержке, осуществляемой в рамках проекта Евросоюза Massif.